



Registro

usuario



¿Nuevo usuario?

¿Olvidó su clave?

Búsqueda



Refréscate ahora!
Elige tu jugo tropical y TOMA el destino que quieras...



- TVN.cl
- Programas
- Deportes
- Noticias
- Teleseries
- Magazine
- Infantil
- Mujer
- Motor
- Tienda TVN

24 HORAS



- Portada
- Nacional
- Internacional
- Tecnociencia
- Magazine
- Sociedad
- Gente
- Deportes
- Multimedia
- Fotogalerías
- Videos



NOTICIAS BBC

- ▶ Fernández de Kirchner gana elecciones
- ▶ Izquierda mantiene alcaldía de Bogotá
- ▶ Medias Rojas campeones

Aprenda Inglés



Servicios

UF \$ 19.378,28
UTM \$ 33.749,00
Dólar \$ 494,77
Euro \$ 716,78
Santoral Narciso
Restricción 3-4



Encuesta

¿Qué nota le pones a la Roja de Bielsa?

- entre 1 y 3
- entre 3 y 5
- entre 5 y 7

Ultima Hora

Imagen no disponible

NOTICIAS DEL DÍA

- ▶ Cristina, la novena americana que llega a la Presidencia
- ▶ Obtienen la secuencia del genoma más grande en bacterias
- ▶ PPD pide mayor presupuesto al mundo científico
- ▶ Amago de incendio afectó a penal de Arica
- ▶ Apple limita ventas del iPhone
- ▶ Farmacias en rebeldía

[Revise la actualidad diaria >](#)

Obtienen la secuencia del genoma más grande en bacterias

Madrid, España. 28 oct 2007

Un equipo de investigadores ha conseguido secuenciar el genoma más grande que se ha obtenido hasta el momento en bacterias, el de la "Sorangium cellulosum", una mixobacteria que cuenta con 13 millones de bases de pares y es capaz de producir compuestos antibióticos.

Así lo indica el investigador de la Universidad de Granada (España), José Muñoz-Dorado, que participa en el trabajo, publicado en el último número de la revista "Nature Biotechnology" y desarrollado por 16 grupos de investigación de Europa y EEUU.

El análisis del genoma ha revelado que esta bacteria posee además capacidad genética para producir compuestos de interés biotecnológico superior a la que se conocía hasta el momento y que es incluso capaz de producir antibióticos.

En concreto, los científicos han conseguido secuenciar el genoma de la "Sorangium cellulosum", mucho mayor que el de la bacteria que se usa como modelo para estudiar el comportamiento multicelular y la movilidad por deslizamiento, la "Myxococcus xanthus", que tiene 9,1 millones de bases de pares.

El descubrimiento, además de tener interés para la industria farmacéutica, puesto que este grupo de bacterias produce una gran cantidad de compuestos naturales activos frente a bacterias, hongos y sustancias cancerígenas, es interesante desde el punto de vista básico, puesto que las mixobacterias son consideradas "microorganismos modelo" para la investigación.

Según Muñoz-Dorado, la mixobacteria secuenciada es productora de "epotilonas", compuestos naturales activos, que podrían ser eficaces a la hora de frenar el crecimiento de tumores.

Además, el análisis ha permitido demostrar que la bacteria dedica una gran parte de su material genético a codificar proteínas reguladoras implicadas en transducción de señales, es decir, capaces de detectar cambios medioambientales para originar adaptaciones específicas y adecuadas al cambio detectado.

Fuente: as
Autor: EFE



<" + "/script>");
//-->

enviar

