



Actualidad > Ciencia

BUSCAR EN EL CANAL

Noticias

BUSCAR

▼ Portada

► Ciencia

· Foto Ciencia

· Proyecto Genográfico

Provincias

Nacional

Internacional

Sucesos

Sociedad

► Ciencia

Cultura

Especiales

Finanzas/Invertia

Día en imágenes

Zona multimedia

Sorteos

El tiempo

Televisión

Tráfico

Chat

Foros

El Reto

Buscar en Internet



Actualidad

CIENCIA

sociedad-congreso 06-02-2006

Unos 130 expertos expondrán avances estudio proteínas y fármacos

Unos 130 investigadores de todo el mundo, especialistas en el estudio de las proteínas para el desarrollo de fármacos, mediante la utilización de superordenadores, se darán cita desde mañana y hasta el sábado día 11 en Zaragoza para analizar los últimos avances en esa materia.

'Simulando la vida y sus enfermedades en un superordenador' es la cuestión central del II Congreso Internacional BIFI 2006, que se celebra bajo el título 'Desde la Física y la Biología: la interface entre experimentos y computación' y en el que once investigadores de prestigio internacional han sido invitados a impartir sendas conferencias.

En la reunión, organizada por el Instituto de Biocomputación y Física de Sistemas Complejos (BIFI) de la Universidad de Zaragoza, también se presentarán unos 80 trabajos, explicó el director de dicho centro, el doctor en Matemáticas José Félix Sáenz.

Todos los estudios girarán en torno al estudio de las proteínas, su estructura y su interacción con entorno en la base del desarrollo de nuevos fármacos para gran variedad de enfermedades, señaló.

En el BIFI, explicó su secretario, el físico Alfonso Tarancón, se trabaja en colaboración con otras universidades españolas con el virus de la hepatitis C, para lo que utilizan un superordenador, el segundo con más potencia de España, y la tecnología Grid, que permite aunar la capacidad de un gran número de ordenadores, de nodos de distintas ciudades.

Sin embargo, Tarancón agregó que no hay ordenadores en el mundo tan potentes como para diseñar proteínas y los posibles fármacos, debido a su gran complejidad.

En el Congreso se expondrán los avances en el estudio de la estructura de las proteínas, donde dijo que se ha progresado mucho, en la modelización de su comportamiento y en la utilización de superordenadores.

Son estudios básicos, a nivel molecular, para los que la computación es una herramienta indispensable y sirve para comprobar si lo que dice el investigador es razonable, agregó.

En el Congreso, que se celebra en la Biblioteca María Moliner de la Universidad de Zaragoza, se expondrán trabajos sobre Proteínas y Péptidos, Física de los Ácidos Nucleicos y comportamiento individual y colectivo de las Biomoléculas.

Los participantes provienen de universidades y centros de investigación de todo el mundo: Boston, Harvard, John Hopkins, Los Alamos, Molsoft LLC, New York, MIT, Rockefeller, Florencia, Roma, Eotvos, Ecole Normal Supérieur de París, Ecole Polytechnique de París, Strasbourg, Dresden, Cambridge, Autónoma, Complutense y Carlos III de Madrid, Barcelona y Parque Científico de Barcelona y Universidad de Granada.

PUBLICIDAD



Terra Actualidad - EFE

Escaparatismo

Artidi. Decoración comercial. PLV escaparatismo. 934850815-933008066
www.escaparatistas.net

Estudios De Turismo

Posgrados online en Dirección y Gestión Turística. Matricúlate ya
www.iup.es

Cómo conseguí una memoria

prodigiosa en menos de dos semanas ¡La demostración fue alucinante!
www.wtselections.com

Anuncios Google

imprimir enviar a un amigo

» Conoce Terra en otros países



» Ayuda

» Aviso e Información Legales

» Anúnciate

» Política de Privacidad

© Copyright 2005, Terra Networks, S.A